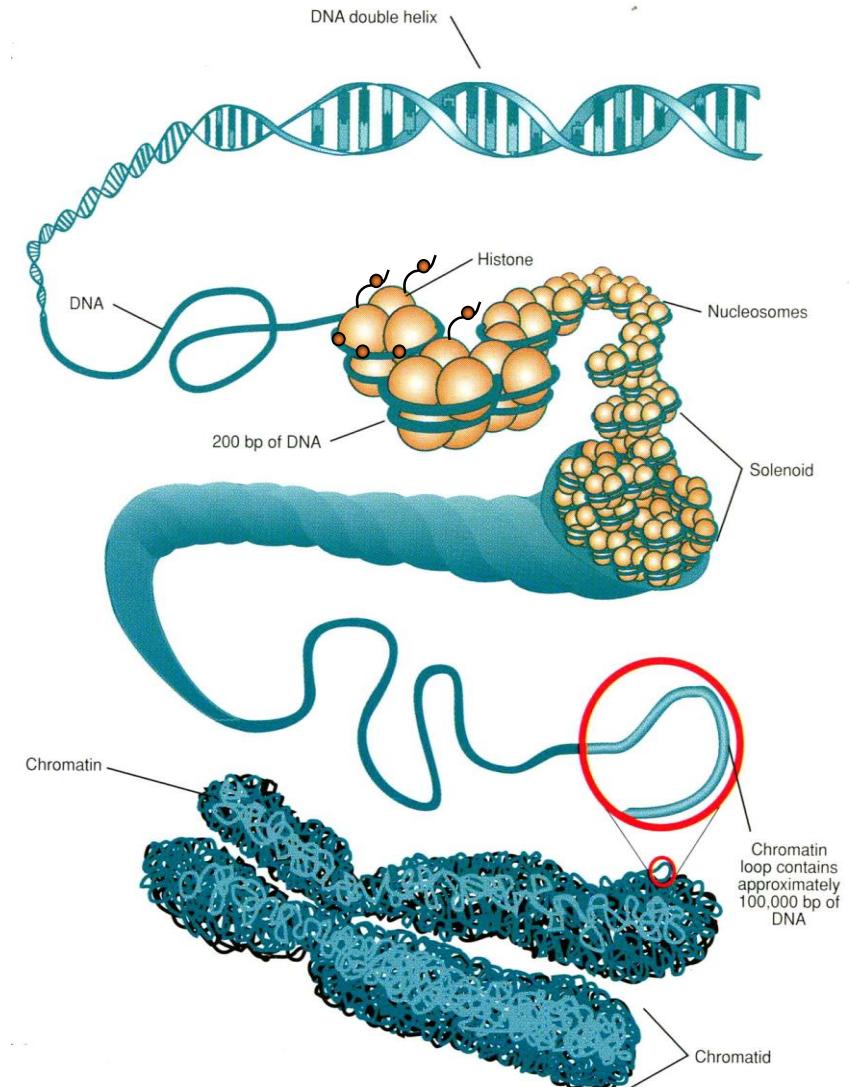


Genetikk og gen-etikk.
Prioriteringsutfordringer ved bruk av
storskala gentesting innen kreftområdet.
- Hva foregår i Helse-Vest?

Bestillerforum 01.11.19



Frode Lindemark, Spesialrådgiver HVHF, Kst.overlege HUS
Anne Kristine Lehmann, Spesialrådgiver HVHF, Overlege HUS



Hva foregår i Helse-Vest?

Genetiske analyser i kreftutredning og -behandling (HUS)

Hva har vi?

Hva brukes de til?

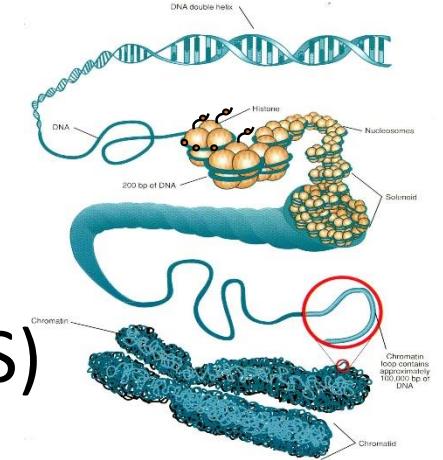
Hva ser klinikerne for seg videre?

Faglige prioriteringsfora

Administrasjon

Klinikk

Forskning



Solide tumores - dagens tilbud om molekylærpatologi

Antall analyser i 2018;

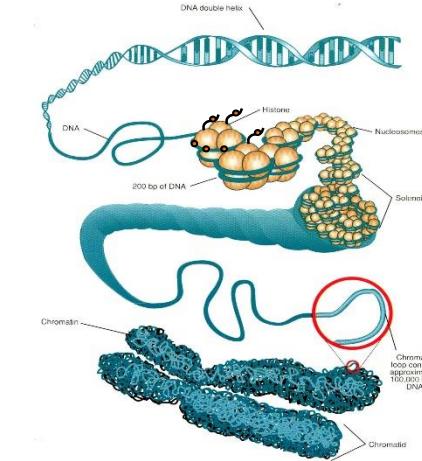
HUS 3700

SUS 950

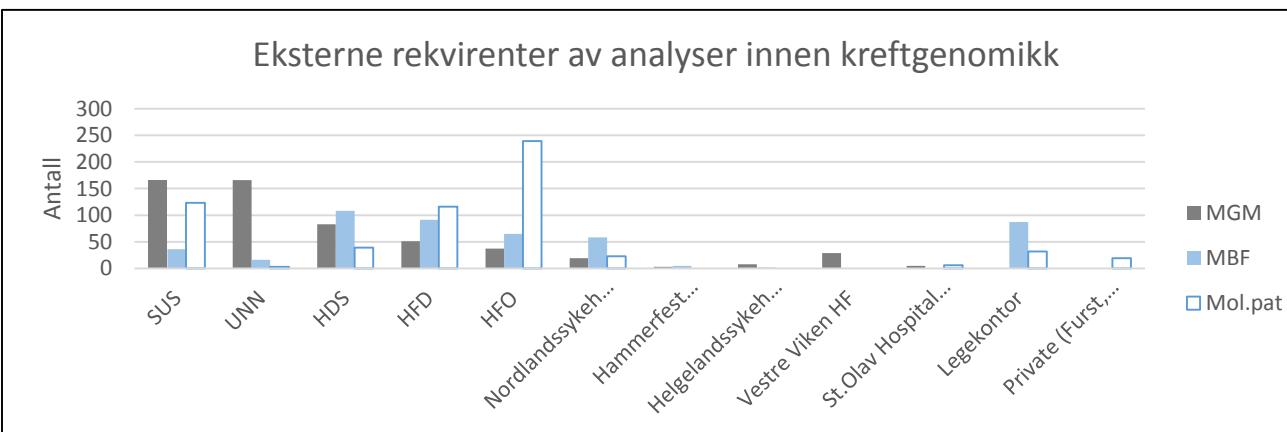
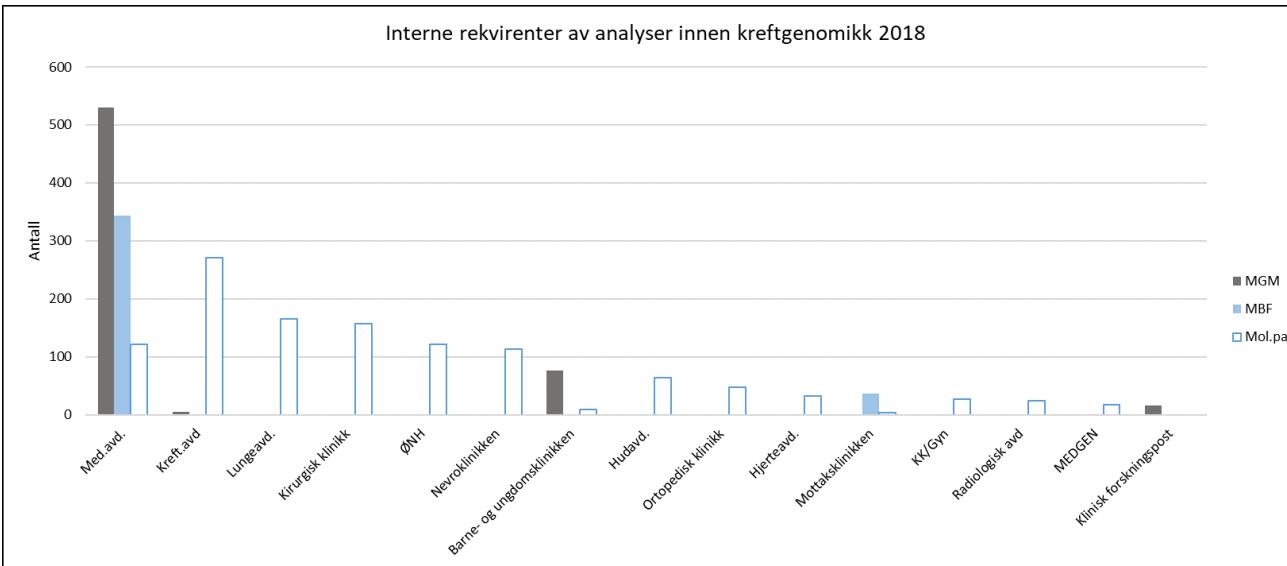
+ Haugesund og Førde

HUS:

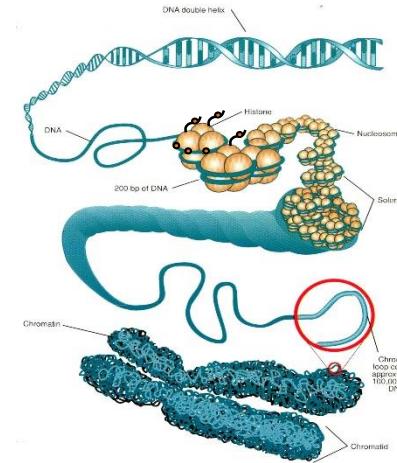
Tid før ferdig preanalyse (d)		Tid før ferdig analyse inkl tolkning	
DNA-reins	1-3		
*Omfattar: -Eks terne blokker; lage HE-snitt, -tumorutredning av HE-snitt, -finne FFPE blokker fra arkiv, -snitte/makrodissekere fra glass, -deparafinering og lysering, -DNA isolering			
Sanger		IDH1/IDH2 CTNN1 GNAQ GNAS MYD88 H3F3A og H3F3B DICER VlgH KIT PDGFRA EGFR KRAS NRAS BRAF HPV subtyping Mycobacterium tuberculosis Atypiske mykobakterier	
Fragment		B-klon IgH (FR IV-J-region) /IgH DH7 B-klon IgHx (VKFR3-JK) IgHx Kde B-klon Ig(FR3-J1/2) T-celle receptor gamma (γ) T-celle receptor beta (β) Mikrosatellitt stabilitet BAT25, BAT26, NR21, NR24, NR27 MLH1 1P19Q fHPV- multiplex MCL t(11;14) FCL (11;1;8) ID-bestemmelser	
Sanntids PCR		Entrogen: KRAS,NRAS,BRAF, PIK3CA/AKT1 Entrogen: EGFR Atypisk liposarkom: MDM2/CDK4	
NGS		TruSight Tumor 15: EGFR,KRAS,NRAS, BRAF,PIK3CA,KIT, PDGFRA (vanlegaste)	
RNA-reins	1-3		
*Omfattar: -Eks terne blokker; lage HE-snitt, -tumorutredning av HE-snitt, -finne FFPE blokker fra arkiv, -snitte/makrodissekere fra glass, -deparafinering og lysering, -RNA isolering		EWS/FU t(11;22) SYT/SSX t(X;18) PAX/FKHR t(2;13) EWS-ATF1 t(12;22) FUS/DDIT3 t(12;16) FUS-CREB t(7;16)	
FISH	1-3		
*Omfattar: -Snitt på glass (immun), -tumorutredning av HE-snitt (molpat - patolog),		BCL-2 (18q21) Follikulært lymfom BCL-6 (3q27) Follikulært lymfom CCND1 (11q13) Mantelcelle lymfom MYC (8q24) Burkitt lymfom MYC/IGH (8q24/14q32/cep8) Burkitt lymfom DUSP22/IRF4 (6p25.3) Anaplastisk storcell et lymfom 1p19q (1p36/1q25, 19p13/19q13) Oligodendrogliomer EGFR (7p12/CEP7) Glioblastom EWSR1 (22q12) Ewings, Klarcellet sarkom SS18 (18q11) Synovialt sarkom FOXO1 (13q11) Alveolært Rhabdomyosarcom TFE3 (Xp11.2) Nyrecelle karsinom / Alveolært bløtevevssarkom DDIT3 (12q13) Myxoid Sarcom COL1A1/PDGFB (17q21/22q13) Dermatofibrosarcoma protuberans PDGFB (22q13) Dermatofibrosarcoma protuberans USP6 (17p13) Nodulær fascitell Aneurysmal bencyste MDM2 (12q15) Atypisk lipom/ liposarcom MYC/CEN8 (8q24) Angiosarcom FUS (16p11) LGFMS/Myxoid sarcom ALK (2p23) Ikke-småcellet/Adenokarsinom ROS (6q22) Ikke-småcellet/Adenokarsinom	



Kreftgenomikkanalyser v/HUS - rekvikenter



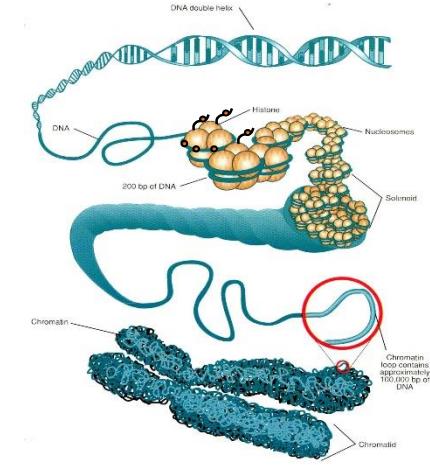
Kilde: Laboratorieklinikken HUS



Per i dag ved tre HUS-laboratorier
Avd. for patologi, Seksjon for mol.pat.
Avdeling for medisinsk genetikk
Avd. med.biokjemi og farmakologi

-> 2020: Seksjon for kreftgenomikk

Kreftgenomikkanalyser - årsaker til prøvetaking



Klinisk konsekvens (lokal behandling)

Kliniske studier: legemiddelutprøving nasjonalt/internasjonalt

Selvfinansiert behandling (evt. via privat forsikring)

- norske, private medisinske sentre
- utenlands

Benyttelse av unntaksregelen (brukstillatelse i påvente av godkjennelse)

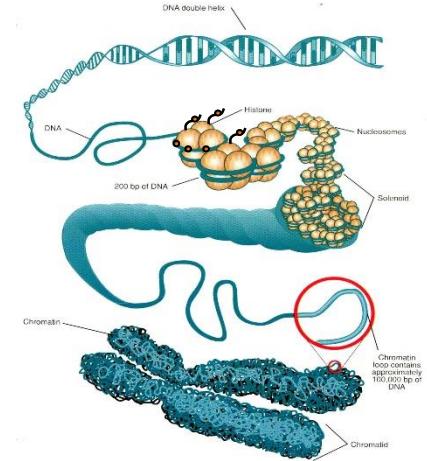
+ pre-kliniske studier: basalforskning, biomarkører

Genetiske analyser i bruk ved Kreftavd. (HUS)

Molekylærpatologiske analyser brukt ved Kreftavd. HUS

1p/19q delesjon: gliomer
CCND1: brystkreft, endometriekreft
EWSR1: Ewing sarkom
FOXO1: rhabdomyosarkom
MDM2: flere tumorformer, særlig liposarkom
PDGFB: sarkom
SS18: synovialt sarkom
TFE3: nyrekreft
USP6: spindelcelle svulster (sarkom, fasceitt)
HPV: hode-halskreft, gyn. cancer
MGMT-metylering: gliomer
Mikrosatellitt instabilitet (MSI) #: colorectal/andre GI-svulster
DICER1: pediatriske svulster
H3F3 A/B: gliomer
IDH1/2: gliomer
CTNNB1: medulloblastom (vesentlig pediatriske pasienter)
KRAS-mutasjoner: colorectal kreft
BRAF: melanom, ca. coli, thyreoidea
PIKCA: brystkreft
C-KIT, PIGFRFA: GIST-svulster i GI-traktus
Translokasjon (11;12): Ewing sarkom og PNET
Translokasjon (12;16): liposarkom
Translokasjon (12;22): klarcelle sarkom
Translokasjont(7;16)/t(11;16): fibromyxoid sarkom
Translokasjon t(X;18): synovialt sarkom
Translokasjon (14;18): lymfom
BCL2 og BCL-6: lymfom
MYC: lymfom
MYC/IGH: lymfom

Høy mutasjons-frekvens indikerer nytte av immunterapi



-> 500 geners panel?

Genetiske analyser ved leukemier

Medisinsk avdeling, Hematologisk seksjon, HUS

Bruk:

Diagnose
Risikostratifisering med
behandlingskonsekvens,
inkl. **KLINISKE STUDIER**
Effektmonitorering

Akutt myelogen leukemi (AML)

Kompleks karyotype
Monosomal karyotype
t(15;17)
t(8;21)
inv16 / t(16;16)
11q23 abn.
(t(9;11), t(11;19), t(10;11), t(6;11), t(9;11), annen 11q23)
3q26 (EVI1) abn. (inv3 / t(3;3), t(2;3), annen t(3q26)/EVI1 rear)
t(6;9)
Abn 5 type (del(5q), monosomi 5,add(5q), annen abn(5q))
Abn 7 type (del(7q), monosomi 7, add(7q), annen abn(7q))
-17 (abn(17p), t(1;22), trisomi 8, andre)
AML1-ETO (RUNX1/RUNX1T1); t(8;21)
CBFB-MYH11, inv(16) / t(16;16)
PML-RAR α ; t(15;17)
MLL rear/mutasjon
(MLLT3(AF9)-MLL; t(9;11), MLLT4(AF6)-MLL; t(6;11), ELL-MLL; t(11;19), MLLT1(ENL)-MLL; t(11;19), MLLT10(AF10)-MLL; t(10;11))
DEK-NUP214(CAN); t(6;9)
NPM1 mutasjon
CEBPA mutasjon
FLT3 ITD

Myelodysplastisk syndrom (MDS)

Kompleks karyotype
del Y (-Y)
Abn 5 type
(del5q (5q-), annen abn(5q))
del 20q (20q-)
Abn 7 type
(del7q (7q-), annen abn(7q))
Abn 3 type
Inv(3), t(3q;3q), del(3q), annen abn 3)
del11q
trisomi 8
trisomi 19
i(17q)

Kronisk myelogen leukemi (KML)

Translokasjon (9;22)
bcr-abl

Akutt lymfatisk leukemi (ALL)

Kompleks karyotype
t(9;22)
11q23 abn.
(t(4;11), andre 11q23)
t(12;21)
Hypo/hyperdiploidy
(ant.kromosomer, t(5;14)(q31;q32), t(1;19), trisomi 8)
BCR-ABL; t(9;22)(q34;q11.2)
MLL rear/mutasjon
(AFF1(AF4)-MLL; t(4;11)(q21;q23), MLLT1(ENL)-MLL;
t(11;19)(q23;p13.3), MLLT3(AF9)-MLL;
t(9;11)(p22;q23), annen MLL rear)
TEL(ETV6)-AML1(RUNX1); t(12;21)
TCF3-PBX1; t(1;19)
IKZF1 (IKAROS)
CEBPA mutasjon

BARNEKREFT	Genetiske analyser med behandlingsmessig konsekvens	Genetiske analyser med antatt snarlig nytteverdi i valg av godkjent behandling	Genetiske analyser som antyder nytte av foreløpig ikke godkjent behandling	Genetiske analyser til bruk i forskning	Ønske om nye analyser
Neuroblastomer					Mutasjonsanalyser sentralisert til radiumhospitalet. Skal utvides i forbindelse med ny behandlingsprotokoll (HR NBL 2.0)
AML	Flt3-ITD, NPM1, PML-RARA, kimerisme				
MDS	Kromosomavvik, monosomi 7/del7, GATA2 (germline), SAMD9/SAMD9L (germline), kimerisme				
KML	BCR-ABL1				
ML-Downs	GATA1				
ALL	Hyperploidi, hypoploidi, mikrodelesjoner, iAmp(21), KMT2A rearr, t(9;22) BCR-ABL1, t(17;19) TCF3-HLF, t(12;21) ETV6-RUNX1, ABL1 rear, ABL2 rear, CSF1R rearr, PDGFRB rearr, IgH/TCR klonalitet (MRD, kimerisme)				
Lymfomer	Flere translokasjonsundersøkelser inkl t(8;14) ved Burkitt lymfom				
CNS svulster	BRAF mutasjon, EGFR, IDH1/2, MGMT promoter, TERT, H3F3A (noen ved OUS)				
Ben- og bløtvevssarkomer	FISH analyser av ulike translokasjoner som har betydning for behandlingsvalg og prognose (f.eks FOXO-1/PAX3/7 ved Rhabdomyosarkom, EWSR1 ved ulike bløtvevssarkomer)				
Solide svulster utenfor CNS, relaps			*		

*** INFORM 2.0 studien
(residiv, Norge høsten 2019)**

Analyses included:

1) 850K methylation array with diagnostic clustering and calculation of copy number profile

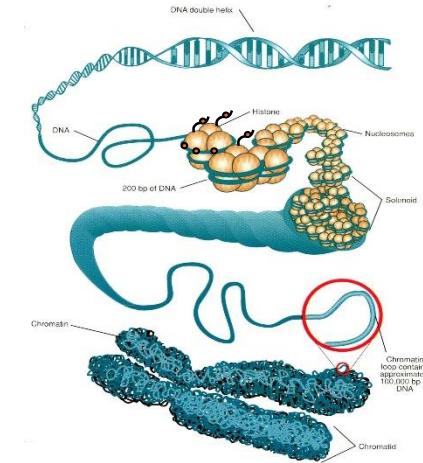
2) Gene Panel Sequencing with germ line correction of 130 tumor relevant genes

3) immunohistochemical staining to test activation of potentially targetable pathways MAPK, PI3K and mTOR, as well as PD-L1

GYNKOLOGISK KREFT	Genetiske analyser med behandlingsmessig konsekvens	Genetiske analyser med antatt snarlig nytteverdi i valg av godkjent behandling	Genetiske analyser som antyder nytte av foreløpig ikke godkjent behandling	Genetiske analyser til bruk i forskning	Ønske om nye analyser
Ovarialcancer PARP-hemmere (HGSO) MEK-hemmere (LGSOC) PIK3 inhibitor og MEK hemmere (clear cell tumorer)	BRCA1/2 germline og #somatisk	#Panel for gener med BRCA-lignende aktivitet	#RAD51C, RAD51D, PTEN, RB1 og BRIP1 KRAS, NRAS, og BRAF	#ARID1A og PIK3CA	#BRCA1/2 somatisk
Endometriecancer (vil bli brukt til risikostratifisering) Både MSIhigh og POLY gruppen skal nok på sikt at imminterapi ved avansert sykdom på diagnostidspunktet eller ved residiv			MSI Kopitalls analyse TP53 #POLY (targeted sekvensering av eksom 9-11)		#POLY (targeted sekvensering av eksom 9-11)
Cervix cancer	-	-	-	-	-
Vulva cancer	-	-	-	-	-

LUNGEKREFT	Genetiske analyser med behandlingsmessig konsekvens	Genetiske analyser med antatt snarlig nytteverdi i valg av godkjent behandling	Genetiske analyser som antyder nytte av foreløpig ikke godkjent behandling	Genetiske analyser til bruk i forskning	Ønske om nye analyser
Småcellet lungecancer					
Ikke-småcellet lungecancer	PD-L1, ROS-1, ALK og EGFR, BRAF	T790m, TRK,	MET, RET; ERBB (HER2), KRAS (gjøres?) og NTREK		

Arenaer for prioritering innen kreft/persontilpasset terapi



Medisinske fagmiljøer (premisser, valg og bruk)

- Grupper av fagfolk lager diagnosespesifikke panel i mange (stadig flere) fagområder
 - Eks. hematologi: myeloid panel og ALL-panel (AllTogether behandlingsstudie)
 - lunge: NGS panel

Ledelse/administrasjon (kvalitetsstyring, overordnede prioriteringsbeslutninger, ressursbruk)

- Legemidler: HUS Kjernegruppe for legemidler (innkjøp, LIS-avtaler, økonomistyring)
- Metoder inkl. utstyr: Regionalt kompetanseMiljø for metodevurderinger
- Fagdirektør: Enkeltsaker unntaksordningen i Nye metoder.
- Leder kliniske avdelinger

Møtepunkt medisinskfaglig - kvalitetsfaglig kompetanse? Få.

- Klinisk etikkomite (KEK)
- Forskningsmiljøer
 - Senter for fremragende forskning CCBio, ELSA (etiske, juridiske og sosiale aspekter av kreftforskning og behandling)
 - Institutt for global helse og samfunnsmedisin, BCEPS
 - Mohn kreftforskningslaboratorium
- Bioteknologirådet flytter til Bergen i januar 2020.